附件5

农学院2013级专业学位硕士研究生实践环节考核表

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| 学号 | 姓名 | 导师 | 合作导师 | 实践基地名称 |
| 2013050140 | 侯立江 | 王军卫 | 刘引祥 | 陕西荣华杨凌基地 |
| 论文题目 | 小麦穗长性状的QTL分析 | | | |
| 基地工作内容及时间 | 参与小麦整个生育期的管理、小麦杂交及考种；时间：2013年9月-2015年3月 | | | |
| 论文摘要 （500字以内） | 小麦穗长是与籽粒产量关系密切的重要农艺性状。本研究以普通小麦(Triticum aestivum L.)品系高麦1号x咸阳超小穗杂交后代的292个F2群体为实验材料,调查其穗长性状的表型值并利用微卫星(simple sequence repeat,SSR)标记对穗长进行数量性状基因座(quantitative trait locus,QTL)定位分析。借助DNA标记和QTL作图，进而确定其在染色体上的位置及其与其它基因的关系并分析小麦穗长的遗传特点，为产量性状的遗传改良提供依据。共检测出8个与穗长相关的QTL位点。8个QTL的加性效应值均为正值，贡献率为0.16%～15.26%。其中3A染色体上的QTL位点距离其最近标记只有0.58cM，为连锁最紧密的一个位点，并且其加性效应值最大，可解释表型变异的15.26%。因此，3A染色体上很可能含有与穗长相关的基因，后续实验应该重点研究3A染色体。 | | | |
| 实践基地负责人意见 | 负责人签名： 时间： 年 月 日 | | | |
| 导师意见 | 导师签名： 时间： 年 月 日 | | | |
| 学院考核小组意见 | 负责人签名： | | | |